

DAFTAR ISI

	Halaman
LEMBAR PERSETUJUAN	ii
LEMBAR PENGESAHAN	iii
SURAT PERNYATAAN KARYA SENDIRI.....	iv
HALAMAN PERSEMBAHAN.....	v
RIWAYAT HIDUP	vi
KATA PENGANTAR.....	vii
ABSTRAK	ix
ABSTRACT	x
DAFTAR ISI.....	xi
DAFTAR TABEL.....	xiii
DAFTAR GAMBAR.....	xiv
BAB I PENDAHULUAN.....	1
1.1. Latar Belakang	1
1.2. Rumusan Masalah.....	5
1.3. Tujuan	5
1.4. Manfaat	5
1.5. Hipotesis	6
BAB II TINJAUAN PUSTAKA.....	7
2.1. HIV (<i>Human Immunodeficiency Virus</i>)	7
2.2. Perkembangan Vaksin.....	10
2.3. Mekanisme Kerja Vaksin HIV	12
2.4. <i>Epitop</i>	12
2.5. <i>Glikoprotein</i>	13
2.6. Bioinformatika.....	14
2.7. UniProt	15
2.8. IEDBAR (Immune Epitope Database Analysis Resource)	16
BAB III METODE PENELITIAN	17
3.1. Waktu	17
3.2. Alat dan Bahan	17
3.3. Rancangan Penelitian	19

3.4. Langkah Penelitian	19
3.4.1. Mencari urutan sekuen protein/ Reseptor target pada UniProt.....	19
3.4.2. Menganalisis urutan sekuen protein menggunakan IEDB Analysis Resouce	20
3.5. Analisis Data	22
BAB IV HASIL DAN PEMBAHASAN.....	23
4.1. Analisis menggunakan metode Kolaskar & Tongaonkar Antigenicity	23
4.2. Analisis menggunakan metode Bepipred Linear Epitope Prediction 2.0.....	25
4.3. Analisis menggunakan metode Chou & Fasman Beta-Turn Prediction	28
4.4. Analisis menggunakan metode Emini Surface Accessibility Prediction	30
4.5. Analisis menggunakan metode Karplus & Schulz Flexibility Prediction	32
4.6. Analisis menggunakan metode Parker Hydrophilicity Prediction	34
BAB V KESIMPULAN DAN SARAN	37
5.1. Kesimpulan	37
5.2. Saran.....	37
DAFTAR PUSTAKA	39
LAMPIRAN.....	45

